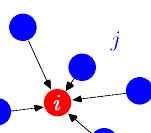


- tuhé koule ap. – nárazy
- „klasická“ MD – integrace pohybových rovnic
- Brownovská (stochastická) dynamika – MD + náhodné síly
- path integral MD (kvantová simulace jader)

Potřebujeme **síly**:

$$\vec{f}_i = -\frac{\partial U(\vec{r}^N)}{\partial \vec{r}_i} \quad i = 1, \dots, N$$



Příklad – párové aditivní síly:

$$U = \sum_{i < j} u(r_{ij}) \Rightarrow \vec{f}_i = \sum_{j=1}^N \vec{f}_{ji} \equiv -\sum_{j=1, j \neq i}^N \frac{du(r_{ji})}{dr_{ji}} \frac{\partial r_{ji}}{\partial \vec{r}_i} = -\sum_{j=1, j \neq i}^N \frac{du(r_{ji})}{dr_{ji}} \frac{\vec{r}_{ji}}{r_{ji}}$$

Značení: $\vec{r}_{ij} = \vec{r}_j - \vec{r}_i$, $r_{ij} = |\vec{r}_{ij}|$

Newtonovy rovnice

$$\ddot{\vec{r}}_i = \frac{\vec{f}_i}{m_i}, \quad i = 1, \dots, N$$

Verletova metoda

Taylor \Rightarrow

$$\ddot{\vec{r}}_i(t) = \frac{\vec{r}_i(t-h) - 2\vec{r}_i(t) + \vec{r}_i(t+h)}{h^2} + O(h^2)$$

Verletova metoda:

$$\vec{r}_i(t+h) = 2\vec{r}_i(t) - \vec{r}_i(t-h) + h^2 \frac{\ddot{\vec{r}}_i(t)}{m_i}$$

Počáteční podmínky:

$$\vec{r}_i(t_0-h) = \vec{r}_i(t_0) - h\dot{\vec{r}}_i(t_0) + \frac{h^2 \ddot{\vec{r}}_i(t_0)}{2 m_i} + O(h^3)$$

Metoda je **časově reverzibilní** \Rightarrow v rovnováze nemůže energie systematicky stoupat ani klesat

Je dokonce symplektická \Rightarrow výborné zachování energie

Metoda leap-frog

rychlosť = dráha (změna polohy) za jednotku času (h)

$$\vec{v}(t+h/2) = \frac{\vec{r}(t+h) - \vec{r}(t)}{h}$$

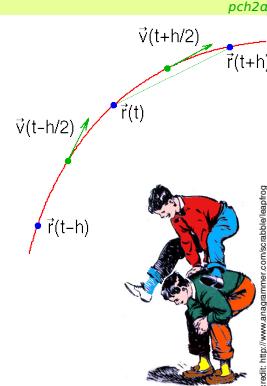
zrychlení = změna rychlosti za jednotku času

$$\vec{a}(t) = \frac{\vec{v}(t+h/2) - \vec{v}(t-h/2)}{h} = \frac{\vec{f}}{m}$$

\Rightarrow

$$\begin{aligned} \vec{v}(t+h/2) &= \vec{v}(t-h/2) + \vec{a}(t)h && \text{opakujeme} \\ \vec{r}(t+h) &= \vec{r}(t) + \vec{v}(t+h/2)h && \text{s } t := t+h \end{aligned}$$

Verlet a leap-frog jsou ekvivalentní

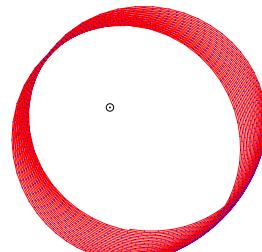


Důkaz: Druhou rovnici napíšeme pro časy $t+h$ a t :

$$\vec{r}(t+h) = \vec{r}(t) + \vec{v}(t+h/2)h, \quad \vec{r}(t) = \vec{r}(t-h) + \vec{v}(t-h/2)h,$$

rozdíl rovnic po vydělení h porovnáme s první rovnicí.

Příklad: dráha planety



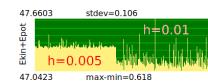
Pro konzervativní silové pole (nemění se s časem) se zachovává celková energie,

$$E_{pot} + E_{kin} = \text{const}$$

konstantní NVE = „mikrokanonický soubor“

všechny konfigurace (stavy) mají stejnou pravděpodobnost

Přesnost zachování energie závisí na délce časového kroku



Ale kde je **teplota**?

Ekvipartiční teorém: $\left(\frac{m}{2}v_{ix}^2\right) = \frac{1}{2}k_B T$

Počet stupňů volnosti: $f = 3N - f_{\text{zachování}} \approx 3N$

Teplotu **měříme**:

$$T_{\text{kin}} = \frac{E_{\text{kin}}}{\frac{1}{2}k_B f}, \quad E_{\text{kin}} = \sum_i \frac{1}{2}m_i v_i^2$$

resp. ze změřených T_{kin} spočteme střední hodnotu, $T \approx \langle T_{\text{kin}} \rangle$

Příklad

Obláček 10 milionů atomů ^{87}Rb v magnetooptické pasti má teplotu $10 \mu\text{K}$. Odhadněte (předpokládaje platnost klasické mechaniky):

a) celkovou vnitřní (kinetickou) energii obláčku v eV,

b) střední rychlosť atomů.

a)

$$E_{\text{kin}} = \frac{3N}{2}k_B T = \frac{30\,000\,000}{2} \times 1.38 \times 10^{-23} \text{ J K}^{-1} \times 10 \times 10^{-6} \text{ K} \\ = 2.07 \times 10^{-21} \text{ J} = 0.013 \text{ eV}$$

b) řádově

$$\frac{1}{2}mv^2 = \frac{1}{2}k_B T$$

$$v = \sqrt{\frac{k_B T}{m}} = \sqrt{\frac{RT}{M}} = \sqrt{\frac{8.314 \text{ J K}^{-1} \text{ mol}^{-1} \times 10 \times 10^{-6} \text{ K}}{0.087 \text{ kg mol}^{-1}}} = 0.031 \text{ m s}^{-1}$$

b) přesněji

$$v = \sqrt{\frac{8RT}{\pi M}} = \sqrt{\frac{8 \times 8.314 \text{ J K}^{-1} \text{ mol}^{-1} \times 10 \times 10^{-6} \text{ K}}{\pi \times 0.087 \text{ kg mol}^{-1}}} = 0.050 \text{ m s}^{-1}$$

Konstantní teplota v MD

$$T_{\text{kin}} = \frac{E_{\text{kin}}}{\frac{1}{2}k_B f} \quad \dots \quad \text{ale lepší by bylo mít konstantní teplotu}$$

konstantní NVT = „kanonický soubor“

konfigurace (stavy) mají pravděpodobnost úmernou $e^{-\text{energie}/k_B T}$

Přibližné metody:

• přeskálování rychlostí: $\dot{\vec{r}}_{i,\text{new}} = \dot{\vec{r}}_i (T/T_{\text{kin}})^{1/2}$

• Berendsen (friction): $\dot{\vec{r}}_{i,\text{new}} = \dot{\vec{r}}_i (T/T_{\text{kin}})^q$, $q < 1/2$

Přesný kanonický soubor = „systém ve styku s termostatem“

• Maxwell-Boltzmann/Andersen: **systematicky**/náhodně vybereme novou rychlosť podle Maxwellova-Boltzmannova rozdělení

• Langevin (Brownovská dynamika): aplikujeme malé náhodné síly a zároveň chladíme („tření“)

• Nosé-Hoover přidáme další stupeň volnosti („pist entropie“)

• Canonical Sampling through Velocity Rescaling (přeskálování se stochastickým q) [Bussi]

časová konstanta τ (relaxační čas, korelační čas) termostatu je doba, za kterou dojde k relaxaci teploty mezi termostatem a systémem na $1/e$ rozdílu

Konstantní tlak

... podobně, ale trochu více matematiky ...

Vyzkoušejte si MD sami

Instalace SIMOLANTa (Windows):

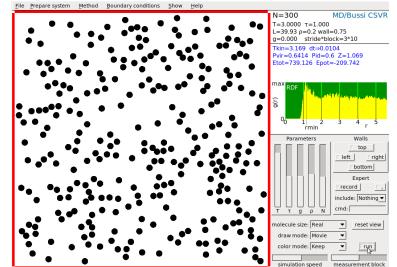
• <http://old.vscht.cz/fch/software/simolant>
nebo <https://github.com/kolafaj/SIMOLANT>
nebo [Google simolant](#)

• Stáhněte [simolant-win32.zip](#)

• Vytvořte složku a rozbalte tam SIMOLANT
Nespouštějte přímo z simolant-win32.zip
– nefungovala by návod
– nenašli byste uložené soubory

• Spusťte [simolant.exe](#)

• Také dostupný pro: linux, MacOS



Zachování energie

• Posuvník "measurement block" doleva (1 zobrazený bod = 1 vypočtená hodnota).

• Default = jeden výpočet (energie) / 3 MD kroky (stride).

Toto lze změnit posuvníkem "simulation speed".

• Pro větší rychlosť zmenšete počet částic posuvníkem "N" na ~ 50.

• Menu: Show → Integral of motion convergence profile

Graf je vždy přeskálován do intervalu [min, max].

• Je-li třeba, graf vynulujete tlačítkem reset view

• Menu: Method → Molecular dynamics (NVE)

- napište "dt=0.005" do pole cmd:

- napište "dt=0.01" do pole cmd: a pozorujte rozdíly

- napište "dt=0.02" do pole cmd: a pozorujte rozdíly

– pro příliš dlouhé dt můžete simulace zhavarovat a přeskocit na MC

• Zkuste pro jiné podmínky (T, ρ, N) ($\rho = \text{rho} = \text{číslo} \rightarrow \text{ hustota}$):

- vratte automatické nastavování pomocí "dt=0"

- přepněte metodu na (třeba) Monte Carlo NVT (Metropolis)

- přepněte zpět na Molecular dynamics (NVE)

Zachování energie vs. teplota

• Vypněte simulaci tiskem [run](#)

• Menu: Show → Temperature convergence profile

případně Energy/enthalpy convergence profile

• Menu: Method → Molecular dynamics NVT (Berendsen)

• Zapněte simulaci: [run](#)

– pozorujte graf teploty

– co se stane, když změníte teplotu (posuvník T)?

– co se stane, když změníte časovou konstantu termostatu (posuvník τ)?

Neměňte parametry příliš rychle!

• Opakujte pro další termostaty.

• Opakujte pro různé vzorky, např. kapalina:

– posuvník "T": ≈ 0.6

– posuvník " ρ ": ≈ 0.6

• Zkuste termostaty pro jen několik molekul, pro zobrazení doporučeno:

– co nejvíce hustota (posuvník ρ)

– draw mode: Traces

– molecule size: Small nebo Dot

Vyzkoušejte si termostaty sami

• Vypněte simulaci tiskem [run](#)

• Menu: Show → Temperature convergence profile

případně Energy/enthalpy convergence profile

• Menu: Method → Molecular dynamics NVT (Berendsen)

• Zapněte simulaci: [run](#)

– pozorujte graf teploty

– co se stane, když změníte teplotu (posuvník T)?

– co se stane, když změníte časovou konstantu termostatu (posuvník τ)?

Neměňte parametry příliš rychle!

• Opakujte pro další termostaty.

• Opakujte pro různé vzorky, např. kapalina:

– posuvník "T": ≈ 0.6

– posuvník " ρ ": ≈ 0.6

• Zkuste termostaty pro jen několik molekul, pro zobrazení doporučeno:

– co nejvíce hustota (posuvník ρ)

– draw mode: Traces

– molecule size: Small nebo Dot

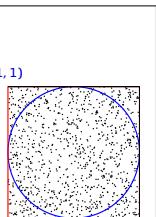
Monte Carlo integrace (naivní Monte Carlo)

xpi 11/35
pch2a

Příklad: Výpočet čísla π

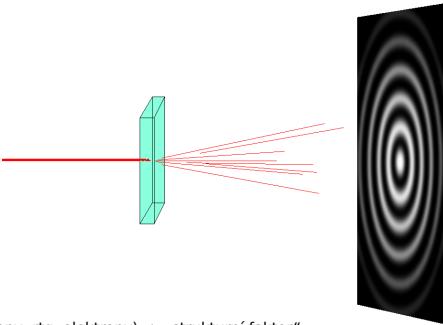
```
INTEGER n celkový počet bodů
INTEGER i
INTEGER nu počet bodů v kruhu
REAL x,y souřadnice bodu ve čtverci
REAL rnd(-1,1) funkce vracející náhodné číslo v intervalu (-1, 1)

nu := 0
FOR i := 1 TO n DO
    x := rnd(-1,1)
    y := rnd(-1,1)
    IF x*x+y*y < 1 THEN nu := nu + 1
PRINT "pi=", 4*nu/n plocha čtverce = 4
PRINT "chyba=", 4*sqrt((1-nu/n)*(nu/n)/(n-1))
```



Jak získám strukturu – experiment

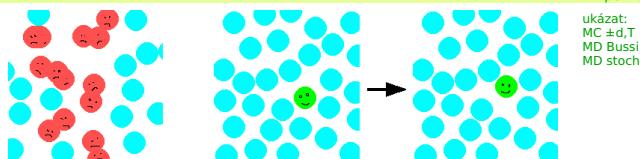
16/35
pch2a



• Difrakce (neutrony, rtg, elektrony) ⇒ „strukturální faktor“

Monte Carlo – Metropolisova metoda

simolant -N100 -Pth=2 12/35
pch2a



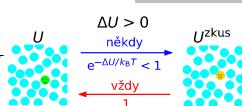
ukázat:
MC ±d,T
MD Bussi
MD stoch.

• Zvolíme částici i , kterou se bude hýbat (nejlépe náhodně)

• r_i^z = náhodná poloha vybrané částice (symetricky)

• $\Delta U = U(r_i^z) - U(r_i)$

• je-li $\Delta U \leq 0$, pohyb přijmeme vždy
je-li $\Delta U > 0$, pohyb přijmeme s pravděpodobností $e^{-\Delta U/k_B T}$
odmitneme s pravděpodobností $1 - e^{-\Delta U/k_B T}$



• Opakujeme ...

Vyzkoušejte si MC sami

simolant 13/35
pch2a

• Menu: Method → Monte Carlo NVT (Metropolis)

• Vypráhnete automatické nastavování délky kroku:

set MC move

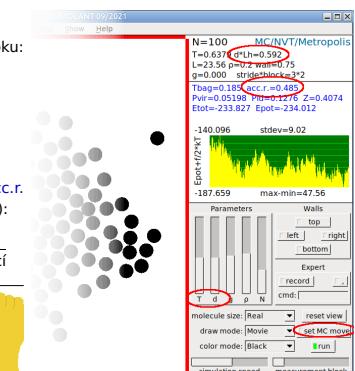
- objeví se posuvník d (délka kroku)
- okamžitá hodnota je vpravo nahore
znásobená půlkou velikosti boxu

• Hrajte si s teplotou (T): plyn, kapalina, krystal

• Hrajte si s délkou kroku (d) a sledujte údaj acc.r.:
(zlomek přijatých konfigurací, acceptance ratio):

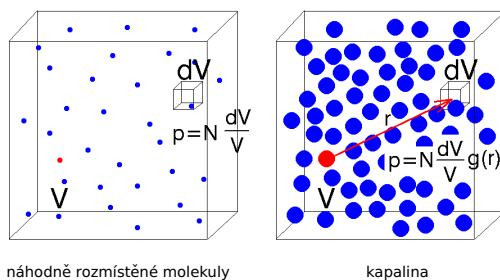
$$acc.r. = \frac{\text{počet přijatých konfigurací}}{\text{počet všech generovaných konfigurací}}$$

Rule of thumb: optimální zlomek přijatých konfigurací bývá okolo 0.3



Struktura tekutin – korelační funkce

14/35
pch2a



náhodně rozmištěné molekuly
(ideální plyn)

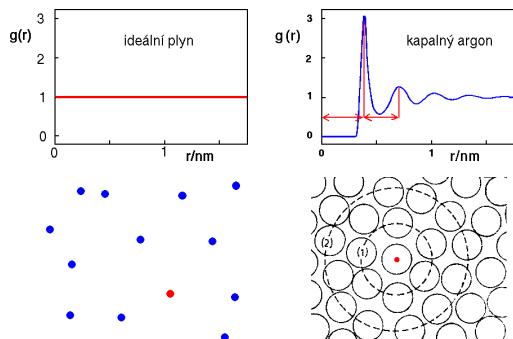
kapalina

$g(r) =$ párová korelační funkce = radiální distribuční funkce

= hustota pravděpodobnosti nalezení částice ve vzdálenosti r od jiné částice normovaná tak, že pro náhodně rozmištěné molekuly výjde 1

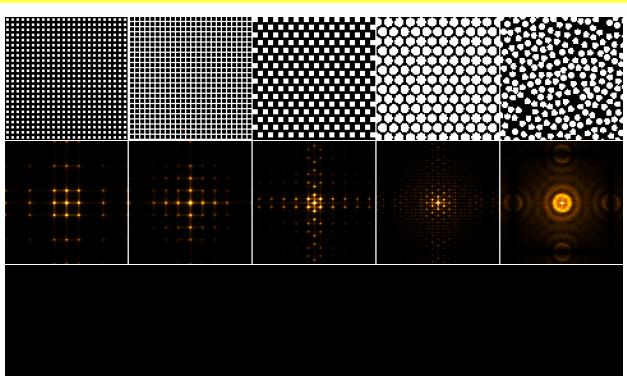
Struktura tekutin – korelační funkce

15/35
pch2a



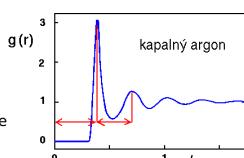
Jak získám strukturu?

17/35
pch2a



Korelační funkce ze strukturálního faktoru

18/35
pch2a

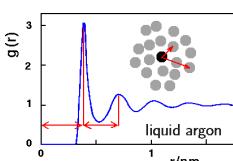


Teorie, kterou teprve uslyšíte: Fourierova transformace

V podstatě to dělá vaše ucho, když rozeznává tóny

Argon, tuhé koule, voda

simolant -PN=209,bc=2,th=11,block=100 19/35
pch2a



• Struktura jednoduché tekutiny (kapalný argon) je organizovaná po slupkách

• Struktura vody je dána tetraedrickou geometrií vodíkových vazeb

• Ve vzdálenosti několika molekulových průměrů jsou již molekuly nekorelované – pohybují se nezávisle

Running coordination number

20/35
pch2a

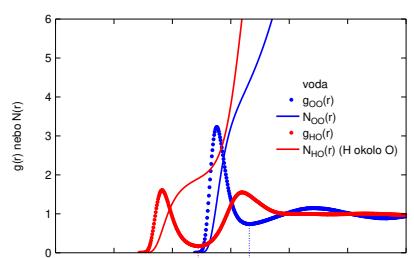
Též nazýváno "cumulative radial distribution function"

$$N(r) = 4\pi\rho \int_0^r g(r')r'^2 dr'$$

kde $\rho = N/V$ = číselná hustota

• r_{min} = první minimum na RDF

• $N(r_{min})$ = "koordinační číslo" = průměrný počet molekul v první slupce



Výpočet RDF v simulacích

+ 21/35
pch2a

Histogram počtu párů částic, N_i , že

$$r \in [r_i - \Delta r/2, r_i + \Delta r/2] \text{ případně } [r_i, r_i + \Delta r)$$

Objem slupky

$$\Delta V_i = \frac{4\pi}{3} \left[\left(r_i + \frac{\Delta r}{2} \right)^3 - \left(r_i - \frac{\Delta r}{2} \right)^3 \right]$$

Průměrný počet molekul okolo vybrané částice pro rovnoramenné rozmištění ($\rho = N/V$)

$$\frac{1}{2}\rho\Delta V_i$$

Součet přes všechny částice (1/2 abychom počítali každý pár jen jednou)

$$N_i^{\text{id}, \text{plyn}} = \frac{N}{2}\rho\Delta V_i$$

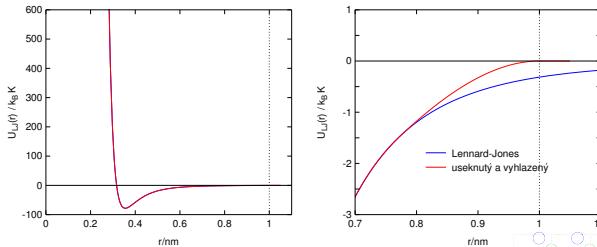
Radiální distribuční funkce

$$g(r_i) = \frac{\langle N_i \rangle}{N_i^{\text{id}, \text{plyn}}} = \frac{2\langle N_i \rangle}{N\rho\Delta V_i} = \frac{\langle N_i \rangle}{\frac{\Delta V_i N^2}{V^2}}$$

Výpočet potenciálu – co s nekonečny?

simul/plotspcelj.sh 22/35
pch2a

Start Lennard-Jones: useknout, vyhladit, spočítat korekce



Coulomb: spočítat interakce přes **všechny** periodické obrazy! matematický trik – Ewaldova sumace

Molekulový počítačový experiment

23/35
pch2a

též „pseudoexperiment“

REÁLNÝ EXPERIMENT	POČÍTAČOVÝ EXPERIMENT
Vedení laboratorního deníku	Vedení laboratorního deníku
Zvol metodu (přístroj, protokol)	Zvol metody (MD, MC, ...)
Stavba aparatury (z částí)	Stáhní/kup/napiš počítačový program, slož bloky kódu
Nakup chemikálie, syntetizuj, co není	Stáhní silové pole, naříď parametry, které nejsou dostupné
Připrav experiment	Připrav počáteční konfiguraci ap.
Proved' experiment, pozorně sleduj, co se děje	Spusť program, sleduj časovou závislost veličin vč. kontrolních
Analyzuj a počítej	Stanov střední hodnoty (s odhady chyb)
Ukliď laboratoř, popiš vzorky	Zapiš zálohy, vymaž nepotřebné soubory

MD nebo MC?

24/35
pch2a

MC a MD se často dají použít na podobné systémy

MD

- realistické modely, složité molekuly (vazby, úhly...)
- kondenzovaná fáze obecně (tekutiny, roztoky; biochemie)
- kinetické veličiny (difuzivita, viskozita...)
- snazší paralelizace, existuje mnoho balíků

MC

- jednoduché kvalitativní modely (mrížkové, tuhé koule apod.)
- zředěné systémy
- kritické jevy
- fázové rovnováhy
- překonávání bariér, výměna molekul aj. triky jsou v MC snazší
- horší paralelizace, existuje málo balíků

Je to správně?

25/35
pch2a

Systematické chyby:

- nepřesný molekulární model (silové pole)
- zanedbání kvantových jevů, nepárových sil (např. polarizovatelnosti)
- malý vzorek (*finite-size effects*)
- nedostatečná časová škála (dlouhé korelace, „hrdlo láhvě“)
- nevzhodná metodologie: chyb integrace (příliš dlouhý krok), nedostatečně zrovnováženo, ne-přesné Coulombovy sily ...

Náhodné (statistiké) chyby* jsou principiální pro stochastické metody

- časově korelované
- lze změnit delším výpočtem

Nejistota* (v metrologii) zahrnuje kritické posouzení systematických i náhodných chyb*

* Názvosloví kolísá podle oboru (matematická statistika, fyzika, metrologie, chemie)

Metodika simulace

Start simulace (počáteční konfigurace):

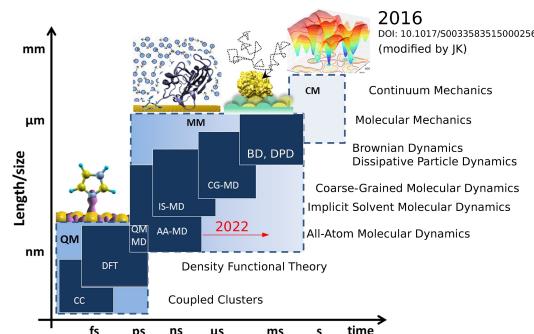
- experimentální struktura (biomolekuly)
- krystal → kapalina, plyn → kapalina; Packmol
- náhodná konfigurace (překryvy molekul = problém v MD) problém u špatně definovaných modelů (exp-6, TIP4P aj.)
- můžete předoptimalizovat k odstranění překryvů ap. (conjugované gradienty ap.)
- mrížkové modely: krystal/chaos
- MD: rychlosť = Maxwell-Boltzmann (stačí přibližné)

- Zrovnovážňování: sledovat časový (konvergenční) profil
- Měření veličin vč. odhadu statistických chyb (nejistot)



Ještě jednou škály...

27/35
pch2a



Ozbojci et al., DOI: 10.1017/S0033583515000256

Odhad náhodných chyb

cd simul; autoregr.sh 200+2000 28/35
pch2a

Nekorelovaná data: standardní chyba ((X)) $\in (\bar{X} - \sigma_X, \bar{X} + \sigma_X)$ na 68 %

$$\sigma_X = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^m \Delta X_i^2}{m(m-1)}}, \text{ kde } \Delta X_i = X_i - \bar{X}, \bar{X} = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m X_i$$

Problém: korelace (viz ukázka)

Řešení: bloková metoda:

$$\bar{X}_j = \frac{1}{B} \sum_{i=1}^B X_{i+(j-1)B}$$

bloky považujeme za nezávislé

Řešení: „průběžný průměr“ (running average):

$$\bar{X}_j = \frac{1}{j} \sum_{i=1}^j X_i$$

$$\sigma_X \approx 0.6 \left[\max_{i=m/2}^m \bar{X}_i - \min_{i=m/2}^m \bar{X}_i \right]$$

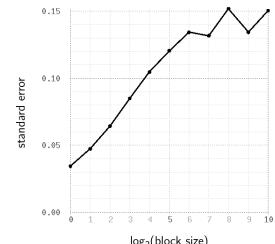
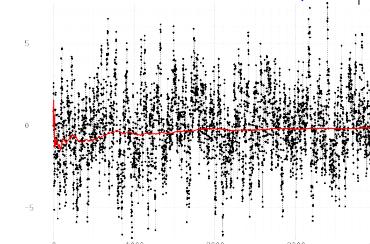
zhruba ekvivalentní 10 bloků

Odhad náhodných chyb – příklad a porovnání metod

simul/errplot2.sh 32+4096 0.9 29/35
pch2a

metoda | odhad std. chyby

bez korelace	0.036
bloky + autokorelace	0.131
2. polovina průb. průměru: $0.6 \times (\max - \min)$	0.108
přesně	0.156



Zvyky a zložky

30/35
pch2a

Jak udávají nejistotu měřených hodnot různé obory:

- Fyzika:** $Q = 123.4 \pm 0.5 \equiv 123.4(5) \equiv 123.4_{-0.45}^{+0.67}$, kde $0.5 = \sigma(Q) = \text{odhadnutá směrodatná/standardní chyba/nejistota statistiky } Q \text{ (např. } Q = \bar{X})$, také standardní/směrodatná odchylka (rozumí se aritmetickému průměru či jiné statistiky) nepřesně jen:(odhadnutá) chyba/nejistota, standardní/směrodatná odchylka V případě normálního rozdělení s pravděpodobností 68 % platí $(Q) \in 123.4 \pm 0.5$

- Biologie, ekonomie, inženýrství, politologie, farmakologie:** $Q = 123.4 \pm 1.0 \equiv 123.4 \pm 2\sigma(Q) = \text{interval spolehlivosti (confidence interval) na hladině (spolehlivosti) 95 \% nepřesně jen: } \pm 1.0 = \text{interval spolehlivosti, } 1.0 = \text{chyba/nejistota, ...}$ V případě normálního rozdělení s pravděpodobností 95 % platí $(Q) \in 123.4 \pm 1.0$

- Chemie:** často ignorováno; pokud udáno, tak nikdo neví, jaká je hladina spolehlivosti

- „Fyzikální jistota“ začíná na $\pm 5\sigma(Q)$ (hladina spolehlivosti 0.999 999 43)

Vždy nutno udat typ chyby/nejistoty resp. hladinu spolehlivosti

α = hladina významnosti (significance level), často 5 %

$1 - \alpha$ = hladina spolehlivosti (confidence level), často 95 %

Analýza chyb

Součet nezávislých měření:

dvojmoci standardních odchylek jsou aditivní

Příklad. Počítáme $I = \int_0^1 f(x)dx$ přibližně Simpsonovým vzorcem,

$$I = \int_0^1 f(x)dx \approx \frac{1}{6}[f(0) + 4f(0.5) + f(1)]$$

Pro $f(x)$ máme následující data se standardními chybami:

x	0	0.5	1
$f(x)$	1.34(5)	1.57(3)	1.77(6)

Vypočtěte I včetně odhadu chyb.

$$I = \frac{1}{6}[1.34 + 4 \times 1.57 + 1.77] = 1.565$$

$$\sigma(I)^2 = (0.05/6)^2 + (0.03 \times 4/6)^2 + (0.06/6)^2 = 0.000569 \Rightarrow \sigma(I) = 0.024$$

$$I = 1.565(24)$$

Analýza chyb

Příklad. Ze simulace dlouhé 100 ns jsme dostali tlak se standardní chybou $p_1 = 1.244(23)$ MPa. Jak bude přesný výsledek, budeme-li simulovat ještě dalších 100 ns?

Tlak je střední hodnotou, máme tedy z jednoho měření $\sigma_1 = 0.023$ MPa. Z druhého očekáváme to samé, $\sigma_2 = 0.023$ MPa. Výsledný tlak je aritmetickým průměrem,

$$p = \frac{p_1 + p_2}{2}$$

tedy

$$\sigma_p = \sqrt{\left(\frac{\sigma_1}{2}\right)^2 + \left(\frac{\sigma_2}{2}\right)^2} = \frac{\sigma_1}{\sqrt{2}} = \frac{0.023}{\sqrt{2}} = 0.0163 \approx 0.017$$

Stochastická chyba n -krát delší simulace/MC integrace je \sqrt{n} -krát menší

Varování:

• Řízení (pseudo)experimentu tak, že pokračuji, dokud odhadnuté σ neklesne pod zadanou mez, je nevhodné, jsou-li odhady σ nepřesné – výsledky mohou být vychýleny (*biased*).

• Správná praxe: stanovit (kratší simulací) odhad potřebné délky simulace předem, mezinásledky zahodit, a pak teprve simulovat naostro.

Analýza chyb

Chyba funkce f proměnné s chybou je (linearizovaný vztah pro malé chyby)

$$f(x \pm \sigma_x) = f(x) \pm f'(x)\sigma_x$$

$$\ln(x \pm \sigma_x) = \ln x \pm \frac{\sigma_x}{x}, \quad \exp(x \pm \sigma_x) = \exp x \pm \sigma_x \exp x, \quad \frac{1}{x \pm \sigma_x} = \frac{1}{x} \pm \frac{\sigma_x}{|x|^2}$$

Příklad. Vypočtěte aktivitu H^+ z pH = 2.125(5).

$$a = 10^{-\text{pH}} = 0.007499$$

Metoda 1:

$$\sigma = 10^{-\text{pH}+0.005} - a = 10^{-2.12} - 10^{-2.125} = 0.000087$$

$$a = 10^{-x} = e^{-\ln 10 \cdot x}$$

$$da/dx = -\ln 10 e^{-\ln 10 \cdot x} = -\ln 10 a$$

$$\sigma = \ln(10)a \times 0.005 = 0.000086$$

$$a = 0.00750(9)$$

Metoda 2:**Analýza chyb****Váhy**

Vážený průměr (váhy w_i nemusí být normalizované)

$$\bar{x} = \frac{\sum_i x_i w_i}{\sum_i w_i}$$

Známe x_i (nezávislé) s chybami σ_i . **Jaké máme volit váhy?**

Odvodíme pro 2 veličiny:

$$\bar{x} = wx_1 + (1-w)x_2$$

$$\sigma^2(\bar{x}) = ((\bar{x} - x)^2) = ((w\Delta x_1 + (1-w)\Delta x_2)^2) = w^2\sigma_1^2 + (1-w)^2\sigma_2^2$$

Minimum nastane pro

$$w = \frac{1/\sigma_1^2}{1/\sigma_1^2 + 1/\sigma_2^2}, \quad 1-w = w_2 = \frac{1/\sigma_2^2}{1/\sigma_1^2 + 1/\sigma_2^2}$$

Tedy nenormalizované váhy (a platí obecně, odvodí se pomocí Lagrangeových multiplikátorů):

$$w_i = \frac{1}{\sigma_i^2}$$

Ale problém může být, pokud neznáme σ_i přesně.

Analýza chyb

Příklad. Vypočtěte 3.46(7)/0.934(13).

• Součin/podíl nezávislých měření (linearizovaný vztah pro malé relativní chyby):

dvojmoci relativních standardních odchylek jsou aditivní

$$\text{podíl: } q = 3.46/0.934 = 3.7045$$

$$\text{rel. chyba čitatele: } r_1 = 0.07/3.46 = 0.0202$$

$$\text{rel. chyba jmenovatele: } r_2 = 0.013/0.934 = 0.0139$$

$$\text{rel. chyba podílu: } r = \sqrt{r_1^2 + r_2^2} = 0.0246$$

$$\text{abs. chyba podílu } q \cdot r = 0.091$$

$$3.46(7)/0.934(13) = 3.70(10) \text{ (raději zaokrouhlit nahoru)}$$